

Informazioni

Personali

Nome / Cognome Daniele Masotti
Indirizzo Via Massarenti 408, 40138 (BO)
Telefono +39 051 535735 Cellulare: +39 351 5005786
E-mail dmasotti@gmail.com
Cittadinanza italiana
Data di nascita 08/08/1972
Sesso M

Curriculum Accademico

2003 - 2006 *PhD in Ingegneria Informatica e dei Sistemi* al
Politecnico di Torino
Titolo della tesi: "Computational techniques for
structural and functional biological research" Tutor:
Prof. Enrico Macii

Gennaio - Giugno 2003 *Master in Bioinformatica* (110/110 cum laude)
presso l'Università di Torino/Fondazione per le
Biotecnologie (Torino)
Titolo tesi: "Progetto AffyWeb: implementazione di un LIMS
open-source"
Supervisor: Prof. Raffaele Calogero

13/12/2001 *Laurea in Ingegneria Informatica* (95/100) **corso di
laurea sistemi e applicazioni software** presso
l'Università di Bologna.
Titolo tesi: "Ricostruzione del profilo di curvatura intrinseca di
biomolecole".
Supervisor: Prof.ssa Paola Mello

Posizioni Lavorative

2003-oggi Freelance - analista/sviluppatore per

- web environment
- e-commerce
- intra/extranet network solutions

db administrator/developer

- 2019-oggi Senior Software Developer – Alfa System SPA
- progettazione/realizzazione di applicazioni web e sviluppo software intranet/extranet
 - sviluppo applicazioni per Mobile
- 2006-oggi Founding Partner - DMlogica s.r.l. con competenze in
- progettazione/realizzazione di applicazioni web e sviluppo software intranet/extranet
 - CMS & e-commerce.
 - workflow documentale & Knowledge management system.
 - Sviluppo applicazioni mobile
 - analista e progettista database DBMS relazionali
 - software architect di applicativi in ambiente intranet, extranet e web
 - Office Automation e EAI (Enterprise Application Integration)
- 2001-2009 Assunto tempo indeterminato come Operational Management Specialist (TIM S.p.A.) con competenze di :
- SQLServer DBA,
 - system IT analyst,
 - web developer , web master
 - office automation specialist
 -
- 2002-2003 Contratto di collaborazione presso DEIS, Università di Bologna.

Publicazioni

Daniele Masotti, Christine Nardini, Simona Rossi, Elena Bonora, Giovanni Romeo, Stefano Volinia, Luca Benini: **TOM: enhancement and extension of a tool suite for in silico approaches to multigenic hereditary disorders.** Bioinformatics 24(3): 428-429 (2008)

S. Rossi-D. Masotti, C. Nardini, E. Bonora, G. Romeo, E. Macii, L. Benini, S. Volinia, **TOM: a web-based integrated approach for efficient identification of candidate disease genes**, Nucleic Acids Research 2006 34 (Web Server issue):W285-W292; doi:10.1093/nar/gkl340

Daniele Masotti, Elisa Ficarra, Enrico Macii, Luca Benini: **Optimized Technique for Dna Structural Properties Discovering.** International Journal on Artificial Intelligence

Tools 15(5): 695-710 (2006)

D. Masotti, E. Ficarra, L. Benini, E. Macii, G. Zuccheri, **Optimized Techniques for DNA structural properties investigation**, International Journal on Artificial Intelligence Tools - JIAIT, World Scientific (SCI), Vol. 15(5), pp.695-709, 2006

Nardini C., Masotti D., Yoon S., Macii E., Kuo M.D., de Micheli G., Benini L. (2006), **Mining gene sets for measuring similarities**, Proceedings of IEEE Symposium on Computers and Communications, ISCC 2006 (pp. 227-232).

Rossi S., Masotti D., Nardini C., Bonora E., Macii E., Volinia S., Benini L. (2006), **Integrated web-based approach to multigenic diseases**, Consortium for Post Genome Science Conference. 2006.

S. Volinia, S. Rossi, D. Valentini, G. Gamberoni, S. Storari, L. Benini, C. Nardini, D. Masotti, C. Camaschella, P. Gasperini, **TOM: Transcriptomics of OMIM**, *Microarray Gene Expression Data Society*, 2005.

E. Ficarra, D. Masotti, L. Benini, E. Macii, G. Zuccheri, B. Samorì, **Automatic Intrinsic DNA Curvature Computation from AFM Images**, IEEE Transactions on Biomedical Engineering, Vol.52(12) pp., 2005

D. Masotti, E. Ficarra, L. Benini, E. Macii, **Techniques for Enhancing Computation of DNA Curvature Molecules**, Proc. of IEEE Fourth Symposium on Bioinformatics and Bioengineering (BIBE2004)

E. Ficarra, D. Masotti, L. Benini, M. Milano, A. Bergia, **Automated Dna curvature profile reconstruction in Atomic Force Microscope images**, AI*IA Notizie, Vol. 4, n. Dec., pp. 64-68 (2002)

D. Masotti, **DNA-Tract Curvature Profile Reconstruction: A Fragment Flipping Algorithm**, Discovery Science: 5th International Conference (2002), 275-282

D. Masotti, **DNA-Tract Curvature Profile Reconstruction**, Proceedings of ECAI Workshop on "Knowledge Discovery from Temporal and Spatial Data", ECAI. 2002. (pp. 37-43)

Competenze Informatiche

SISTEMI OPERATIVI

Windows Server 2008/2003/XP/2000/98/95/NT 4,
Linux/Unix

LINGUAGGI DI PROGRAMMAZIONE

ASP, VBScript, XML, UML, PHP, Perl, Java, ASP.Net,

VB/VBA, VB.Net, C/C++, SQL/T-SQL/Stored Procedure, ActiveX/OLE Automation - COM, HTML / DHTML / CSS / JavaScript / VBScript, shell scripting.

LINGUAGGI E TOOLS BIOINFORMATICI

Matlab - R - Bioconductor – Bioperl – Biojava

AMBIENTI/ TOOLS DI SVILUPPO

Visual Studio/Visual Studio.Net, XML, ADO/ADO.Net, IIS, Apache, TCP/IP, Microsoft SQL Server, Oracle database Server, MySQL, Postgress, MS Access, MS Office.

Collaborazioni accademiche

Unità di Genetica Medica - Policlinco S. Orsola in Bologna.

2006

Sviluppo di un tool/framework web-based per una veloce integrazione e visualizzazione di dati pubblici e privati di microarray, memorizzati su basi di dati.

Dipartimento di Embriologia and DAMA (DATA Mining and Analysis) Telethon Facility presso Università di Ferrara.

2005

Sviluppo di un web tool per malattie ereditarie multigeniche, basato su storage/retrieval da basi di dati di espressioni genetiche da microarray e locazioni genomiche sui cromosomi.

Dipartimento di Scienze Cliniche e Biologiche presso l'ospedale S. Luigi di Orbassano, Torino.

2003

Web management di dati biologici per lo storage and retrieval da database di analisi orientate all'individuazione di pathway biologiche e gene regulatory networks.

Dipartimento di Biochimica "G. Moruzzi," University of Bologna.

2002

Tools per la visualizzazione automatica del profilo di curvature intrinseca del DNA ottenuta da frammenti visualizzati tramite microscopio a forza atomica.

-

Esperienze di Insegnamento

Anno accademico 2005-
2006

Sezione di Programmazione in C nel corso **"Fondamenti di informatica"** Prof. A. Macii presso Politecnico di Torino

Anno accademico 2004-
2005

Sezione *Modelling and implementing* nel corso **"Basi di dati"** Prof. M. Poncino presso Politecnico di Torino

Maggio-Giugno 2004

Seminario : “**Modelling Gene regulatory Network**” presso Politecnico di Torino e Fondazione Edo Tempia, Biella.

Interessi Scientifici

LIMS developments. Ricerca e sviluppo di sistemi di integrazione e management tools web-based /database per esperimenti biologici (Laboratory Information Management System).

Biological data storage. Ricerca e sviluppo di basi di dati per il corretta memorizzazione e retrieval di dati biologici e relative ontologie.

Analisi e visualizzazione di molecole biologiche. Implementazione di tools e algoritmi AI per la stima della struttura e la visualizzazione di biomolecole da immagini di microscopio a Forza Atomica.

Statistical Testing Tools. Implementazione di approcci/tools statistici per l'individuazione, il retrieval e management di database di geni significativi da esperimenti ad alto throughput.

Ricerca su malattie multigeniche ereditarie. In collaborazione con Data Mining of DNA microarray (DAMA) Telethon Facility presso l'università di Ferrara. La collaborazione ha prodotto un approccio, e un database pubblico online, che permette ai genetisti di individuare possibili geni candidati ad essere i responsabili per patologie multigeniche.

Gene Sets annotation. Implementazione di tools per la stima di similarità tra cluster di geni ottenuti da dati di origine eterogenea.

Bologna, 10/01/2020

